

目 次

まえがき 佐々木 慎一 i

1 化学情報の現状と動向	島内 武彦 1
1 化学の現状	1
2 コンピュータの進歩と情報学の発展	2
3 化学者の当面の目標	3

化学情報の表現と検索

2 化学構造の線型表記法 平山 健三 9

1 概説	9
2 有機化合物の IUPAC 表記法	12
2.1 非環系	12
2.2 環系	15
3 WISWESSER 線型表記法	16
3.1 非環系	17
3.2 環系	19
4 HAYWARD 表記法	21
4.1 非環系	21
4.2 環系	22
5 SKOLNIK 表記法	22
5.1 非環系	23
5.2 環系	24
6 GREMAS 法	24
7 あとがき	25
文 献	26

3 化学構造表現の数式的手法 細矢 治夫 27

1 化学構造式とは何か	27
2 数式的表現とその必要性	28
3 特性多項式	29
4 距離多項式	31
5 距離行列から得られる種々の特性量	33
6 トポロジカル・インデックス	36
7 高次グラフと高次トポロジカル・インデックス	39
8 立体配座の数式的表現	40
9 異性体の数え上げ	43
10 残された問題	44
文 献	44

4 構造化と処理法 内野 正弘 47

1 基礎的演算系の構造化	48
2 Algorithm のトポロジー的および群論的構造化	50
2.1 Tree 構造と Table	50
2.2 Mapword と mapword tree	51
2.3 Word group とその性質	53
2.4 群作用下の map を同値類の数え上げ	53
3 構造生成理論	56
3.1 基礎原理	57
3.2 ある骨格を有する化学構造の生成	57
3.3 化学構造組立生成法	59

3.4 構造の unique code	60	4 Bibliographical remarks	61
3.5 有機合成デザイン	61	文 献	62
5 化学構造表現法		工 藤 喜 弘	63
1 はじめに	63	4 表現法で問題が生ずる理由	71
2 概 説	65	5 表現法の種類と分類	73
3 化合物の表現と構造の表現	67	文 献	87
6 構造情報とデータベース		石塚 英弘, 藤原 鎮男	91
1 CAS レジストリシステムの概略	91	6 検索システムとその応用	97
2 レジストリ・ナンバー	91	7 文献検索との関連—CASIA	98
3 化合物の同定基準	93	8 今後の展望	98
4 構造データ	94	文 献	99
5 化合物名データ	95		
化学情報の収集と処理, 予測と設計			
7 データ収集		竹 内 誠	103
1 はじめに	103	4.2 システム構成とその機能	110
2 データ取得	104	4.3 データサンプリングの詳細	111
2.1 情報のデジタル化	104	4.4 AD 変換器のダイナミックレンジ と FID	112
2.1.1 縦軸情報のデジタル化	104	4.5 FTNMR データの一次処理	113
2.1.2 横軸情報のデジタル化	105	4.6 周波数スペクトルでの一次処理	114
2.2 情報取得速度	105	5 GCMS データ処理システム	114
2.3 情報量と取得方法	106	5.1 システム構成とその機能	115
3 分析機器と計算機オンラインにおける諸問題	107	5.2 GCMS データ取得	115
4 Pulse-Fourier 変換 NMR-データ 処理システム	109	6 コンピュータの能力とその活用度	116
4.1 FTNMR のデータ取得	109	文 献	118
8 データの解析と処理		阿 部 英 次	119
1 経験的手法	119	2.2.3 階層的Qモードクラスター化法	125
2 統計的手法	120	2.2.4 Shortest Spanning Path(SSP) 法	126
2.1 因子分析法によるスペクトルデータ 解析	120	3 パターン認識	127
2.2 クラスター分析	122	3.1 学習機械(Learning Machine)	129
2.2.1 類似度, 距離について	122	3.2 K-Nearest Neighbor(KNN) および 類似の手法	131
2.2.2 線型識別関数によるクラスター 分析	122	文 献	133

9 有機化合物の自動構造解析	山崎 徹, 佐々木慎一	135
1 はじめに		135
2 自動化の目的		136
2.1 構造解析の工程		136
2.2 Man-machine システム		137
3 自動化の方法		138
3.1 スペクトル情報の解析		138
3.1.1 スペクトルの照合		138
3.1.2 スペクトルの予測		139
3.1.3 スペクトルの解析		139
3.2 構造の列挙		141
4 構造解析のシステム		144
4.1 自動構造解析システム		144
4.2 Stanfordグループのシステム		145
4.3 CHEMICS-F システム		146
4.3.1 システムの構成		147
4.3.2 部分構造の推定		147
4.3.3 全構造の創出		150
5 おわりに		152
文 献		152
10 高分子構造の予測	長野 晃三	155
1 高分子の一次構造と三次元構造		155
2 生体高分子と合成高分子		156
3 タンパク質の一次構造と高次構造		157
4 タンパク質の折り畳み順序と階層性		159
5 タンパク質の二次構造予測法		160
5.1 Chou-Fasman の方法		161
5.2 Robson の方法		164
5.3 Lim の方法		166
5.4 Burgess, Ponnuswamy, Scheraga の方法		167
5.5 長野の方法と諸方法の比較テスト		169
6 タンパク質の超二次構造予測法		173
7 エネルギー計算によるタンパク質構造の予測法		174
文 献		176
11 有機合成デザイン	岩村 秀, 丸山 和博	179
1 はじめに		179
2 有機合成デザインの方法		180
2.1 Bersohn の有機合成デザイン		181
2.2 Corey の有機合成デザイン		184
2.3 その他の有機合成デザインの考え方		186
3 有機合成デザインに対する種々のとりくみ方		188
3.1 有機合成デザインの特質		188
3.2 Corey-Wipke の方法と Hendrickson の方法の特徴		189
3.3 有機合成デザインの試みを通して得られる興味深い諸問題		193
3.3.1 Corey の方法から		193
3.3.2 Hendrickson の方法から		199
文 献		201